Phylogenetic tree

Motif

FtPinG0001874600.01.T01
FtPinG0000496000.01.T01
FtPinG0009904300.01.T01
FtPinG0000212200.01.T01
FtPinG0006382900.01.T01
FtPinG0006588500.01.T01
FtPinG0001782200.01.T01
FtPinG0000493400.01.T01
FtPinG0008190500.01.T01
FtPinG0007295700.01.T01
FtPinG0000286400.01.T01
FtPinG0005035600.01.T01
FtPinG0002293500.01.T01
FtPinG0006144300.01.T01
FtPinG0006337300.01.T01
FtPinG0001287900.01.T01
FtPinG0003310800.01.T01
FtPinG0007464600.01.T01
FtPinG0005349100.01.T01
FtPinG0009145900.01.T01
FtPinG0000377600.01.T01
FtPinG0007448200.01.T01
FtPinG0003446200.01.T01
FtPinG0006650700.01.T01

VII
IV
V
VIII
III
VI
II
I

Subfamily
I
II
III
IV
V
VI
VII
VIII

Bootstrap Percentage (BP)
BP > 75
50 < BP<=75
BP ≤ 50

Motif
motif_1
motif_10
motif_2
motif_3
motif_4
motif_5
motif_6
motif_7
motif_8
motif_9